

NOMBRE: DANILO RODRIGO PÉREZ PANTOJA

ESTUDIOS

ANTECEDENTES ACADÉMICOS	ÁREA DEL CONOCIMIENTO	INSTITUCIÓN	AÑO
TÍTULO PROFESIONAL	Bioquímico	Universidad de Chile	2003
MAGÍSTER	Bioinformática y Biología Computacional	Universidad Complutense de Madrid	2012
DOCTORADO	Ciencias Biológicas con Mención en Genética Molecular y Microbiología	P. Universidad Católica de Chile	2009
OTROS ESTUDIOS	Postdoctorado en el Programa de Biología de Sistema	Centro Nacional de Biotecnología	2009-2015

ACTIVIDADES DOCENTES

NIVEL	ESPECIALIDAD	INSTITUCIÓN	AÑO
PREGRADO	“Bioinformática, Genómica y Evolución Molecular”, Carrera de Bioingeniería	Universidad de Concepción	2015-2016
	“Biología Celular y Molecular”, Carrera de Kinesiología	Universidad de Concepción	2016
	“Bioquímica”, Carrera de Licenciatura en Química	Universidad de Concepción	2016
	“Genética Molecular e Ingeniería Genética”, Carrera de Bioingeniería	Universidad de Concepción	2016
POSTGRADOS	“Bioinformática y Genómica”, Magíster en Bioquímica y Bioinformática	Universidad de Concepción	2016
	“Análisis de Datos de Secuenciación Masiva”, Magíster en Bioquímica y Bioinformática	Universidad de Concepción	2015
	“Biotecnología de Microorganismos”, Master en Biotecnología	Universidad Autónoma de Madrid	2009-2012
DOCTORADO	“Biología Celular y Molecular”, Doctorado en Ciencias Biológicas Área Biología Celular y Molecular	Universidad de Concepción	2016
OTROS	3 Tesis de Pregrado Dirigidas	UTEM	2017-2019

PUBLICACIONES últimos 5 años

TÍTULO	TIPO DE PUBLICACIÓN	AÑO
Draft Genome Sequences of Two Pseudomonas Strains That Are Able To Use Furan Derivatives as Their Sole Carbon Source.	ISI	2020
Complete Genome Sequence of Rhodococcus ruber R1, a Novel Strain Showing a Broad Catabolic Potential toward Lignin-Derived Aromatics.	ISI	2020
Evolving metabolism of 2,4-dinitrotoluene triggers SOS-independent diversification of host cells.	ISI	2019
Draft genome sequences of Cylindrospermopsis raciborskii strains CS-508 and MVCC14, isolated from freshwater bloom events in Australia and	ISI	2018

Uruguay.		
Diurnal Changes in Active Carbon and Nitrogen Pathways Along the Temperature Gradient in Porcelana Hot Spring Microbial Mat.	ISI	2018
The interplay of EIIANtr with C-source regulation of the Pu promoter of <i>Pseudomonas putida</i> mt-2.	ISI	2018
The Metabolic Redox Regime of <i>Pseudomonas putida</i> Tunes Its Evolvability toward Novel Xenobiotic Substrates.	ISI	2018
Genomic features of "Candidatus <i>Venteria ishoeyi</i> ", a new sulfur-oxidizing macrobacterium from the Humboldt Sulfuretum off Chile.	ISI	2017
Plasmid and clonal interference during post horizontal gene transfer evolution.	ISI	2017
<i>Cupriavidus pinatubonensis</i> AEO106 deals with copper-induced oxidative stress before engaging in biodegradation of the herbicide 4-chloro-2-methylphenoxyacetic acid.	ISI	2017
Pyridine nucleotide transhydrogenases enable redox balance of <i>Pseudomonas putida</i> during biodegradation of aromatic compounds.	ISI	2016
High-resolution analysis of the m-xylene/toluene biodegradation subtranscriptome of <i>Pseudomonas putida</i> mt-2.	ISI	2015
Hierarchy of Carbon Source Utilization in Soil Bacteria: Hegemonic Preference for Benzoate in Complex Aromatic Compound Mixtures Degraded by <i>Cupriavidus pinatubonensis</i> Strain JMP134.	ISI	2015
<i>Pseudomonas putida</i> mt-2 tolerates reactive oxygen species generated during matrix stress by inducing a major oxidative defense response.	ISI	2015

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN EN PROYECTOS CONCURSABLES últimos 5 años

NOMBRE	ROL	AÑO
Metagenomic exploration of harsh environments for increasing tolerance to lignocellulose-derived inhibitors in <i>Escherichia coli</i> - 1161750. FONDECYT Regular	Investigador responsable	2016-2019
Genomics and Applied Microbiology for Biodegradation and Bioproducts - ACT172128. Programa de Investigación Asociativa, Anillos en Ciencia y Tecnología	Investigador titular	2018-2020
CAPES - Center of Applied Ecology & Sustainability. Programa de Investigación Asociativa, Financiamiento Basal de CONICYT	Investigador asociado	2019-2023
Towards more robust <i>Escherichia coli</i> strains for lignocellulosic biomass conversion by metabolic engineering involving transfer of the biodegradation potential evolved by microbial communities from pulp-mill waste activated-sludge	Investigador responsable	2020-2023